

Βιογραφικό: Παναγιώτης Παπασταμούλης

papastamoulis@aueb.gr
papapast@yahoo.gr

Πατησίων 76
Αθήνα
104 34

Αθήνα
2 Δεκεμβρίου 2024

Εκπαίδευση

2005–2010 Πανεπιστήμιο Διατριβή Επιβλέπων	Διδάκτωρ Στατιστικής Τμήμα Στατιστικής και Ασφαλιστικής Επιστήμης Πανεπιστήμιο Πειραιώς, Ελλάδα Επίλυση του προβλήματος εναλλαγής ετικετών στη Μπεϋζιανή ανάλυση μείξεων κατανομών Γιώργος Ηλιόπουλος, Καθηγητής
2003–2005 Πανεπιστήμιο Διατριβή Επιβλέπων	Μεταπτυχιακό στην Εφαρμοσμένη Στατιστική Τμήμα Στατιστικής και Ασφαλιστικής Επιστήμης Πανεπιστήμιο Πειραιώς, Ελλάδα Μπεϋζιανή συμπερασματολογία σε πεπερασμένες μίξεις κατανομών Γιώργος Ηλιόπουλος, Καθηγητής
1999–2003 Πανεπιστήμιο Διπλωματική Εργασία Επιβλέπων	Πτυχίο Μαθηματικών Τμήμα Μαθηματικών Πανεπιστήμιο Πατρών, Ελλάδα Βελτίωση εκτιμητών στην εκθετική κατανομή Σταύρος Κουρούκλης, Καθηγητής

Στρατιωτική Θητεία

2010–2011 | Εκπληρωμένη

Ακαδημαϊκές Θέσεις

2020– Πανεπιστήμιο	Επίκουρος Καθηγητής Οικονομικό Πανεπιστημίο Αθηνών Τμήμα Στατιστικής Γνωστικό Αντικείμενο: Στατιστική μεθοδολογία ΦΕΚ διορισμού: Γ' 495/22.04.2020 ΦΕΚ μονιμοποίησης: Γ' 743/04.03.2024
-----------------------	---

2018–2020	Πανεπιστημιακός υπότροφος
Πανεπιστήμιο	Οικονομικό Πανεπιστήμιο Αθηνών Τμήμα Στατιστικής
2015–2018	Μεταδιδακτορικός ερευνητής
Πανεπιστήμιο	Division of Informatics, Imaging and Data Science Faculty of Biology, Medicine and Health University of Manchester, UK
Project	Bayesian Inference and Statistical Bioinformatics II
PI	Prof. Magnus Rattray
Περιγραφή	Develop Bayesian methods of inference in mixture and latent class models with applications including large-scale RNA-Sequencing data, clinical data of patients with asthma and growth-data time series.
2012–2015	Μεταδιδακτορικός ερευνητής
Πανεπιστήμιο	Faculty of Life Sciences University of Manchester, UK
Project	Bayesian Inference and Statistical Bioinformatics I
PI	Prof. Magnus Rattray
Περιγραφή	Develop Bayesian methods of inference for estimating gene expression with RNA-Sequencing data.
2011–2012	Μεταδιδακτορικός ερευνητής
Πανεπιστήμιο	Unité de Recherche en Genomique Végétale, Évry, Île-de-France Institut National de la Recherche Agronomique (INRA), France
Project	Unsupervised clustering of RNA-Sequencing data
PI	Marie-Laure Martin Magniette (INRA)
Περιγραφή	Efficient Maximum Likelihood estimation of high-dimensional mixture models with applications in clustering gene expression data.

Χρηματοδότηση ερευνητικών έργων

2024 - 2025	Χρηματοδότηση στα πλαίσια του προγράμματος «Εξαιρετική επίδοση στη διδασκαλία στο Οικονομικό Πανεπιστήμιο Αθηνών» κατόπιν σχετικής διάκρισης.
2023 - 2024	Χρηματοδότηση στα πλαίσια του προγράμματος «Ενίσχυση Ερευνητικής Αριστείας Οικονομικού Πανεπιστημίου Αθηνών» κατόπιν σχετικής δημοσίευσης ερευνητικών αποτελεσμάτων.
2021 - 2023	Επιστημονικός υπεύθυνος στο ερευνητικό έργο με τίτλο «Αναπτυξη μεθόδων υπολογιστικής Στατιστικής για συμπερασματολογία σε μοντέλα λανθάνουσων μεταβλητών» χρηματοδοτούμενο από τη « ΔΡΑΣΗ 1 : Ενίσχυση Επίκουρων Καθηγητών με θητεία στο ΟΠΑ μικρότερη των 6 ετών».

Υποτροφίες – Βραβεία – Διακρίσεις

2023	Βραβείο εξαιρετικής επίδοσης στη διδασκαλία στο Οικονομικό Πανεπιστήμιο Αθηνών για το υποχρεωτικό μάθημα «Γραμμικά Μοντέλα»
2010	Τιμηθείς με το «Βραβείο καλύτερης εργασίας νέου Στατιστικού» για την εργασία “On the convergence of ECR algorithm for the solution of the label switching problem”, που παρουσιάστηκε στο 23ο Συνέδριο του Ελληνικού Στατιστικού Ινστιτούτου (Βέροια - Ελλάδα, 7-11 Απριλίου 2010).
2006-2009	Υποτροφία από το <i>Ίδρυμα Κρατικών Υποτροφιών (ΙΚΥ)</i> για σπουδές διδακτορικού επιπέδου στον Τομέα Πιθανοτήτων/Στατιστικής.
2006	Καταταχθείς στην 1η θέση βαθμολογίας στις εξετάσεις του <i>Ίδρύματος Κρατικών Υποτροφιών (ΙΚΥ)</i> για τη χρηματοδότηση σπουδών διδακτορικού επιπέδου στον Τομέα Πιθανοτήτων/Στατιστικής.
2006	Αριστείο προόδου στο Πρόγραμμα Μεταπτυχιακών Σπουδών στην «Εφαρμοσμένη Στατιστική», Πανεπιστήμιο Πειραιώς.

Διδακτικό έργο

Αυτοδύναμη διδασκαλία

Προπτυχιακά μαθήματα

2021 - ...	Γραμμικά Μοντέλα, Τμήμα Στατιστικής (υποχρεωτικό μάθημα 2ου έτους), Οικονομικό Πανεπιστήμιο Αθηνών
2018 - ...	<i>Μέθοδοι Μπεύζιανής Συμπερασματολογίας</i> , Τμήμα Στατιστικής (μάθημα 4ου έτους), Οικονομικό Πανεπιστήμιο Αθηνών
2019 - 2020	<i>Μη Παραμετρική Στατιστική</i> , Τμήμα Στατιστικής (μάθημα 4ου έτους), Οικονομικό Πανεπιστήμιο Αθηνών
2019 - 2020	<i>Ανάλυση Κατηγορικών Δεδομένων</i> , Τμήμα Στατιστικής (μάθημα 4ου έτους), Οικονομικό Πανεπιστήμιο Αθηνών
2018 - 2019	<i>Ειδικά Θέματα Πιθανοτήτων και Στατιστικής: Θεωρία Αποφάσεων</i> , Τμήμα Στατιστικής (μάθημα 4ου έτους), Οικονομικό Πανεπιστήμιο Αθηνών

Μεταπτυχιακά μαθήματα

2020 - ...	<i>Probability and Statistics for Data Analysis</i> , MSc in Data Science, School of Information Sciences and Technology of the Athens University of Economics and Business.
2021 - ...	<i>Statistical Genetics - Bioinformatics</i> , MSc in Statistics, Department of Statistics, Athens University of Economics and Business
2021 - ...	<i>High Dimensional Statistics</i> , MSc in Applied Statistics, Department of Statistics, Athens University of Economics and Business

Συνδιδασκαλία

2018–2019	<i>Bayesian Statistics and Simulation</i> , Μεταπτυχιακό στην Επιστήμη Δεδομένων, Οικονομικό Πανεπιστήμιο Αθηνών (μαζί με Καθηγητή κ. Ιωάννη Ντζούφρα)
2018–2019	<i>Statistics for Business Analytics II</i> , Μεταπτυχιακό Business Analytics, Οικονομικό Πανεπιστήμιο Αθηνών (μαζί με Καθηγητή κ. Δημήτρη Καρλή)
2018–2019	<i>Ανάλυση Δεδομένων με χρήση της R</i> , Κέντρο Δια Βίου Μάθησης, Οικονομικό Πανεπιστήμιο Αθηνών (μαζί με Καθηγητή κ. Ιωάννη Ντζούφρα)
2005–2010	<i>Υπολογιστική Στατιστική και Τεχνικές προσομοίωσης</i> , Μεταπτυχιακό στην Εφαρμοσμένη Στατιστική (μάθημα 2ου έτους), Πανεπιστήμιο Πειραιά (μαζί με Καθηγητή κ. Μιχάλη Μπούτσικα)
2005–2010	<i>Στατιστική I: Εκτιμητική</i> , Τμήμα Στατιστικής και Ασφαλιστικής Επιστήμης (μάθημα 2ου έτους), Πανεπιστήμιο Πειραιά (μαζί με Καθηγητή κ. Γιώργο Ηλιόπουλο).
2005–2010	<i>Στατιστική II: Έλεγχος Υποθέσεων</i> , Τμήμα Στατιστικής και Ασφαλιστικής Επιστήμης (μάθημα 3ου έτους), Πανεπιστημίο Πειραιά (μαζί με Καθηγήτρια κ. Μαρία Κατέρη)
2005–2010	<i>Στατιστικά Πακέτα</i> , Τμήμα Στατιστικής και Ασφαλιστικής Επιστήμης, (μάθημα 4ου έτους) Πανεπιστήμιο Πειραιά (μαζί με Καθηγητή κ. Μιχάλη Μπούτσικα)

Επιμέλεια–Συγγραφή Διδακτικού Υλικού

2019	<i>Μέθοδοι Μπεϋζιανής Συμπερασματολογίας</i> , σημειώσεις μαθήματος, Τμήμα Στατιστικής, Οικονομικό Πανεπιστήμιο Αθηνών
2019	<i>Ειδικά Θέματα Πιθανοτήτων και Στατιστικής: Θεωρία Αποφάσεων</i> , σημειώσεις μαθήματος, Τμήμα Στατιστικής, Οικονομικό Πανεπιστήμιο Αθηνών

Δημοσιεύσεις σε επιστημονικά περιοδικά

- [A1] **Panagiotis Papastamoulis** and George Iliopoulos. Reversible jump MCMC in mixtures of normal distributions with the same component means. *Computational Statistics & Data Analysis*, 53(4):900–911, 2009
- [A2] **Panagiotis Papastamoulis** and George Iliopoulos. An artificial allocations based solution to the label switching problem in Bayesian analysis of mixtures of distributions. *Journal of Computational and Graphical Statistics*, 19(2):313–331, 2010
- [A3] **Panagiotis Papastamoulis** and George Iliopoulos. On the convergence rate of random permutation sampler and ECR algorithm in missing data models. *Methodology and Computing in Applied Probability*, 15(2):293–304, 2013
- [A4] **Panagiotis Papastamoulis**. Handling the label switching problem in latent class models via the ECR algorithm. *Communications in Statistics - Simulation and Computation*, 43(4):913–927, 2014
- [A5] **Panagiotis Papastamoulis**, James Hensman, Peter Glaus, and Magnus Rattray. Improved variational Bayes inference for transcript expression estimation. *Statistical Applications in Genetics and Molecular Biology*, 13(2):213–216, 2014
- [A6] James Hensman*, **Panagiotis Papastamoulis***, Peter Glaus, Antti Honkela, and Magnus Rattray. Fast and accurate approximate inference of transcript expression from rna-seq data. *Bioinformatics*, 31(24):3881, 2015. * Joint first authors
- [A7] **Panagiotis Papastamoulis**, Marrie-Laure Martin-Magniette, and Cathy Maugis-Rabusseau. On the estimation of mixtures of Poisson regression models with large number of components. *Computational Statistics & Data Analysis*, 93 (3rd special issue on Advances in Mixture Models):39–106, 2016

- [A8] **Panagiotis Papastamoulis**. label.switching: An R package for dealing with the label switching problem in MCMC outputs. *Journal of Statistical Software*, 69(1):1–24, 2016
- [A9] **Panagiotis Papastamoulis** and Magnus Rattray. A Bayesian model selection approach for identifying differentially expressed transcripts from RNA sequencing data. *Journal of the Royal Statistical Society, Series C (Applied Statistics)*, 67(1):3–23, 2018
- [A10] **Panagiotis Papastamoulis** and Magnus Rattray. BayesBinMix: an R package for model based clustering of multivariate binary data. *The R Journal*, 9(1):403–420, 2017
- [A11] **Panagiotis Papastamoulis** and Magnus Rattray. Bayesian estimation of differential transcript usage from RNA-seq data. *Statistical Applications in Genetics and Molecular Biology*, 16(5-6), 2017
- [A12] Rebecca Howard, Danielle Belgrave, **Panagiotis Papastamoulis**, Angela Simpson, Adnan Custovic, and Magnus Rattray. Evolution of IgE responses to multiple allergen components throughout childhood. *Journal of Allergy and Clinical Immunology*, 142(4):1322–1330, 2018
- [A13] **Panagiotis Papastamoulis**. Overfitting Bayesian mixtures of factor analyzers with an unknown number of components. *Computational Statistics and Data Analysis*, 124(DOI:10.1016/j.csda.2018.03.007):220–234, 2018
- [A14] **Panagiotis Papastamoulis**, Takanori Furukawa, Norman van Rhijn, Michael Bromley, Elaine Bignell, and Magnus Rattray. Bayesian detection of piecewise linear trends in replicated time-series with application to growth data modelling. *The International Journal of Biostatistics*, 16(1):20180052, 2020
- [A15] **Panagiotis Papastamoulis**. Clustering Multivariate Data using Factor Analytic Bayesian Mixtures with an Unknown Number of Components. *Statistics and Computing*, 30:485–506, 2020
- [A16] **Panagiotis Papastamoulis** and Ioannis Ntzoufras. On the identifiability of bayesian factor analytic models. *Statistics and Computing*, 32(2):23, 2022
- [A17] Sayema Rahman, Norman van Rhijn, **Panagiotis Papastamoulis**, Darren D. Thomson, Zorana Carter, Rachael Fortune-Grant, Magnus Rattray, Michael John Bromley, and Elaine Bignell. Distinct cohorts of aspergillus fumigatus transcription factors are required for epithelial damage occurring via contact- or soluble effector-mediated mechanisms. *Frontiers in Cellular and Infection Microbiology*, 12, 2022
- [A18] **Panagiotis Papastamoulis**. Model based clustering of multinomial count data. *Advances in Data Analysis and Classification*. DOI: 10.1007/s11634-023-00547-5, 2023
- [A19] **Panagiotis Papastamoulis** and Fotios Milienos. Bayesian inference and cure rate modeling for event history data. *TEST*. DOI: 10.1007/s11749-024-00942-w, 2024

Σημείωση: Όλα τα παραπάνω περιοδικά ανήκουν στις βάσεις του Web of Science και Scopus. Τα 17 από 19 άρθρα (συγκεκριμένα A1, A2, A3, A4, A5, A6, A8, A9, A10, A11, A13, A14, A15, A16, A18, A19) είναι δημοσιευμένα σε περιοδικά που ανήκουν στην κατηγορία *Statistics & Probability*, ενώ 2 από τα 19 (A12 και A17) ανήκουν στις κατηγορίες *Immunology* και *Microbiology*.

Εργασίες υποβλημένες προς δημοσίευση

- [A20] Anna Nalpantidi, Dimitris Karlis, and **Panagiotis Papastamoulis**. Multinomial mixture for spatial data. *arXiv:2402.09888 [stat.ME]*, 2024
- [A21] **Panagiotis Papastamoulis** and Fotios Milienos. bayesCureRateModel: Bayesian cure rate modeling for time to event data in R. *arXiv:2409.10221*, 2024
- [A22] M Tsagris, **Papastamoulis, P**, and S Kato. Directional data analysis using the spherical cauchy and the poisson kernel-based distribution. *arXiv:2409.03292*, 2024
- [A23] **Panagiotis Papastamoulis** and Konstantinos Perrakis. Bayesian cluster weighted Gaussian models. *arXiv:2411.18957 [stat.ME]*, 2024

Μονογραφίες

- [M1] Apostolos Batsidis, **Panagiotis Papastamoulis**, Konstantinos Petropoulos, and Athanasios Rakitzis. *Non parametric Statistics*. Kallipos, Open Academic Editions, DOI: dx.doi.org/10.57713/kallipos-102, 2022

Προσκεκλημένος Ομιλητής

- 2011 *Solution to the label switching problem in Bayesian analysis of mixture models*. Mathématiques et Informatique Appliquées - AgroparisTech seminar, Paris, France
- 2012 *Clustering high-throughput sequencing data using Poisson mixture models*. Statistics for Systems Biology (SSB) seminar, Jouy en Josas, France
- 2013 *Approximating the posterior distribution of mixture weights with application to transcript expression estimation*. Representing Greece in the 18th European Young Statisticians Meeting, Bernoulli Society for Mathematical Statistics and Probability. Osijek, Croatia.
- 2014 *Bayesian inference for high throughput sequencing data*. NextGenBug Bioinformatics User Group meeting, University of Aberdeen, Scotland
- 2016 *Bayesian methods for inference in high-throughput biomedical data*. Department of Humanities, University of Manchester, UK.
- 2021 *On the identifiability of factor analytic models*. Department of Mathematical Sciences, University of Durham, UK.
- 2024 *Applications of recent advances on model based clustering*. Keanote speaker: V. International Applied Statistics conference, Marmara University, Turkey.

Επιλεγμένες Ανακοινώσεις σε Συνέδρια

- (Σ1) RJMCMC in mixtures of normal distributions with same component means. *20th Conference of the Greek Statistical Institute*. Nicosia - Cyprus, 11-15 April 2007
- (Σ2) The label switching phenomenon in mixtures of distributions and multivariate regressions. *21st Conference of the Greek Statistical Institute*. Samos - Greece, 30 April-4 May 2008
- (Σ3) A new solution to the label switching problem of MCMC outputs. *Greek Stochastics α'*. Lefkada - Greece, 28-31 August 2009
- (Σ4) On the convergence of ECR algorithm for the solution of the label switching problem. *23rd Conference of the Greek Statistical Institute*. Veroia - Greece, 7-11 April 2010
- (Σ5) Model-based clustering for high-throughput sequencing data to determine similar expression profiles across genes. *4th StatSeq workshop*, University of Verona - Italy, 18-19 April 2012
- (Σ6) Approximate Inference for Transcript Quantification in RNA-Seq. *23rd workshop: Mathematical and Statistical Aspects of Molecular Biology*, Imperial College, London - UK, 11-12 April 2013
- (Σ7) Approximating the posterior distribution of mixture weights with application to transcript expression estimation. *18th European Young Statisticians Meeting*. Osijek - Croatia, 26-30 August 2013
- (Σ8) Identifying differentially expressed transcripts via a Reversible Jump MCMC sampler. *13th European Conference on Computational Biology*, Strasbourg - France, 7-10 September 2014
- (Σ9) Bayesian methods for inferring Differential Transcript Usage from RNA-seq data. *26th workshop: Mathematical and Statistical Aspects of Molecular Biology*, Cambridge - UK, 3-4 October 2016
- (Σ10) Bayesian clustering identifies allergic response patterns that are predictive of clinical outcomes. *NIPS 2016 Workshop on Machine Learning for Health NIPS 2016 Workshop on Machine Learning for Health*, Barcelona - Spain, 9-10 December 2016
- (Σ11) Dimension reduction and parallel tempering schemes in Bayesian analysis of mixture models. *Greek Stochastics ι'*. Milos - Greece, 14-17 July 2017
- (Σ12) A Bayesian model selection approach for identifying differential expressed transcripts from RNA sequencing data. *Royal Statistical Society Annual Conference*, Glasgow - UK, 4-7 September 2017
- (Σ13) Parallel tempering and dimension reduction schemes for Bayesian estimation of multivariate mixture models with unknown number of components. *Greek Stochastics κ'*. Athens - Greece, 19-22 December 2018
- (Σ14) Bayesian detection of piecewise linear trends in replicated time-series with application to growth data modelling. *Statistics 5*. Aigina - Greece, 6-9 September 2019
- (Σ15) Clustering replicated multinomial data. *Workshop in model-based clustering*. Athens - Greece, 25-30 October 2021
- (Σ16) Model based clustering of multinomial count data. *CMStatistics*. London - UK, 17-19 December 2022
- (Σ17) Bayesian finite mixtures of regressions with random covariates. (presenter K. Perakis) *CMStatistics*. Berlin - Germany, 16-18 December 2023

Γλώσσες προγραμματισμού και λογισμικό ανοιχτού κώδικα

Γλώσσες	C++, Fortran, Mathematica, R
R packages	https://CRAN.R-project.org/package=bayesCureRateModel https://CRAN.R-project.org/package=VAR.spec https://CRAN.R-project.org/package=multinomialLogitMix https://CRAN.R-project.org/package=factor.switching https://CRAN.R-project.org/package=fabMix https://CRAN.R-project.org/package=BayesBinMix https://CRAN.R-project.org/package=beast https://CRAN.R-project.org/package=label.switching https://CRAN.R-project.org/package=poisson.glm.mix
C++ software	https://github.com/BitSeq https://github.com/mqbssppe/cjBitSeq https://github.com/mqbssppe/gen_dir_vb
Reproducibility	<p>Κώδικας σε R-weave για την αναπαραγωγή των αποτελεσμάτων τού άρθρου [2]: http://www.tandfonline.com/doi/suppl/10.1198/jcgs.2010.09008</p> <p>Κώδικας σε R/C++ για την αναπαραγωγή των αποτελεσμάτων τού άρθρου [6]: https://github.com/BitSeq/BitSeqVB_benchmarking</p> <p>Κώδικας σε R/C++ για την αναπαραγωγή των αποτελεσμάτων τού άρθρου [8]: https://www.jstatsoft.org/article/view/v069c01</p> <p>Κώδικας σε R/C++ για την αναπαραγωγή των αποτελεσμάτων τού άρθρου [9]: https://github.com/ManchesterBioinference/cjBitSeq_benchmarking</p> <p>Κώδικας R για την αναπαραγωγή των αποτελεσμάτων τού άρθρου [10]: https://www.researchgate.net/publication/317900570_BayesBinMix_reproducible_script</p>

Κριτής σε διεθνή περιοδικά

Στατιστικής	<p>Advances in Data Analysis and Classification</p> <p>Annals of Applied Statistics</p> <p>Communications in Statistics</p> <p>Computational Statistics and Data Analysis</p> <p>Journal of the American Statistical Association</p> <p>Journal of Classification</p> <p>Journal of Computational and Graphical Statistics</p> <p>Journal of Educational and Behavioral Statistics</p> <p>Journal of the Royal Statistical Society</p> <p>Statistical Applications in Genetics and Molecular Biology</p> <p>Statistics and Its Interface</p> <p>The American Statistician</p> <p>Test</p>
Άλλα	<p>BMC Bioinformatics</p> <p>BMC Genomics</p> <p>BMC Systems Biology</p> <p>Educational and Psychological Measurement</p> <p>Genome Biology</p> <p>IEEE/ACM Transactions on Computational Biology and Bioinformatics</p> <p>NAR Genomics</p> <p>PLoS ONE</p> <p>Software X</p>

Διοικητικό έργο στο Οικονομικό Πανεπιστήμιο Αθηνών

- 2021 – ... Μέλος της επιτροπής προγράμματος προπτυχιακών σπουδών Τμήματος Στατιστικής Οικονομικού Πανεπιστημίου Αθηνών
- 2021 – ... Μέλος της επιτροπής οδηγού σπουδών Τμήματος Στατιστικής Οικονομικού Πανεπιστημίου Αθηνών
- 2021 – ... Ακαδημαϊκός υπεύθυνος προγράμματος Erasmus Τμήματος Στατιστικής Οικονομικού Πανεπιστημίου Αθηνών
- 2022 – ... Μέλος της ομάδας εσωτερικής αξιολόγησης (ΟΜ.Ε.Α.) Τμήματος Στατιστικής Οικονομικού Πανεπιστημίου Αθηνών
- 2021 – ... Μέλος της επιτροπής προγράμματος σπουδών του Προγράμματος Μεταπτυχιακών Σπουδών στην Εφαρμοσμένη Στατιστική του Τμήματος Στατιστικής Οικονομικού Πανεπιστημίου Αθηνών
- 2022 – ... Μέλος της επιτροπής προγράμματος σπουδών του Διατμηματικού Προγράμματος Μεταπτυχιακών Σπουδών στην Επιστήμη Δεδομένων του Οικονομικού Πανεπιστημίου Αθηνών

Διοργάνωση συνεδρίων & λοιπών ερευνητικών δραστηριοτήτων

- 2020 – ... Διοργανωτής της σειράς ερευνητικών σεμιναρίων του τμήματος Στατιστικής, ΟΠΑ <https://www.dept.aueb.gr/el/stat/content/ereynitikaseminaria>
- 2021 Μέλος της τοπικής διοργανωτικής επιτροπής του “22nd European Young Statisticians Meeting” (EYSM), που τελεί υπό την αιγίδα της Bernoulli Society: 6-10 Σεπτεμβρίου 2021, Πάντειο Πανεπιστήμιο. .
- 2021 Μέλος της τοπικής διοργανωτικής επιτροπής του “27th Autumn Working Group on Model-Based Clustering”, Οικονομικό Πανεπιστήμιο Αθηνών, 25-30 Οκτωβρίου, 2021